

1. PREMIXED SEQ

Ihre DNA-Proben liegen bereits als Probe-Primer-Mix vor. Es können sowohl 96well-Platten als auch 8er-strips eingeschickt werden. Wichtig: Bitte verwenden Sie zum Verschließen der Platten bzw. Strips nur Deckel-strips keine Folien.

Sie erhalten die automatisch prozessierten Sequenzdaten (.ab1 und .seq Dateien) in der Regel taggleich, spätestens am folgenden Arbeitstag nach Probeneingang.

- **Vorbereitung**

- in Wasser eluiert / gelöst, keinesfalls in TE
- Proben & Primer vorgemischt mit Deckel, keine Folie oder Parafilm

Template			Primer		Pre-Mixed
Proben Art	Konzentration	Volumen	Konzentration	Volumen	Gesamtvolumen (DNA+Primer)
PCR-Fragment gereinigt	5ng/100bp/µl	5µl	5 pmol/µl	5µl	10µl
Plasmid	100-200ng/µl	5µl	5 pmol/µl	5µl	10µl

2. SINGLE PASS QUICKVIEW (SP-Q)

Ihre DNA-Proben werden mit Standard-Vektorprimer oder Kundenprimer sequenziert. Sie erhalten die automatisch prozessierten Sequenzdaten. Abhängig von der Template-Qualität können Leselängen von bis zu 900 nt pro Lauf generiert werden. Die Ergebnisse (.ab1 und .seq Dateien) liegen in der Regel taggleich, spätestens am folgenden Arbeitstag nach Probeneingang vor.

- **Vorbereitung**

Bei diesem Service benötigen wir die Proben und Primer in separaten Reaktionsgefäßen oder auf Platte.

- in Wasser eluiert / gelöst, keinesfalls in TE
- Proben & Primer getrennt, in farblosen Eppis
- Standard-Vektor Primer: bei 4BL vorhanden und kostenlos
- Proben & Primer werden bis zu 4 Wochen gelagert

Proben Art	Template		Primer	
	Konzentration	Volumen pro (1-4) Run	Konzentration	Volumen pro (1-4) Run
PCR-Fragment gereinigt/ungereinigt	5ng/µl/100bp	20µl	5 pmol/µl	10µl
Plasmid	100-300ng/µl	20µl	5 pmol/µl	10µl
BAC/PAC/Cosmid	200-500ng/µl	20µl	10 pmol/µl	10µl

3. SINGLE PASS STANDARD (SP-S)

Ihre Proben (DNA) werden mit Standard-Vektorprimer oder Kundenprimer sequenziert. Die Sequenzdaten werden anschließend editiert. Bei laborbedingten Problemen wird die Sequenzierung kostenlos wiederholt. Die Ergebnisse (.ab1 und .seq Dateien) liegen in der Regel taggleich, spätestens am folgenden Arbeitstag nach Probeneingang vor.

- **Vorbereitung** siehe (SP-Q)

4. SINGLE PASS STANDARD-SCHWIERIGE DNA (SP-SS)

Haben Sie schwierige DNA-Templates mit hohem GC-Gehalt, komplexen Sekundärstrukturen, langer Homopolymerbereiche, palindromische Sequenzen oder Sequenzen mit Tandem-Wiederholungen? Kein Problem! Für die Sequenzierung Ihrer Proben werden spezielle Modifikation eingesetzt. Es können sowohl Standardprimer als auch Kundenprimer eingesetzt werden. Die erhaltenen Sequenzdaten werden manuell editiert. Eine automatische Neusequenzierung bei erfolgloser Sequenzierung ist kostenfrei. Die Ergebnisse (.ab1 und .seq Dateien) liegen in der Regel taggleich, spätestens am folgenden Arbeitstag nach Probeneingang vor.

- **Vorbereitung** siehe (SP-Q)

5. PRIMER WALKING (PW1 und PW2)

Für höchste Genauigkeit in der Sequenzierung von langen DNA-Abschnitten. Ausgehend von der ersten Sequenzreaktion mit Standard-Vektorprimer werden zusätzliche Primer so synthetisiert und eingesetzt, dass ein Strang des DNA-Templates (PW1) / beide DNA-

Stränge des Templates (PW2) komplett mit höchstmöglicher Genauigkeit sequenziert wird. Der Service beinhaltet Design und Synthese aller Primer, Auswertung sowie Assemblierung aller erhaltenen Sequenzen zu einem Consensus. Auf Wunsch wird auch eine Assemblierung gegen eine Referenzsequenz durchgeführt. Die Ergebnisse (.ab1 und .seq Dateien) hängen von der Länge des Templates ab. **Details auf Anfrage**

6. GMP/GLP Compliance-DNA Sequenzierung: kontaktieren Sie uns zu Modalitäten/Überwachung/Audit

Versand

- Ungekühlt im wattierten Umschlag
- Auftragsformular bitte per e-mail senden an: DNAseq@4base-lab.com